

ゲノム解析について

資料1-2



検査について

解析数 5,162

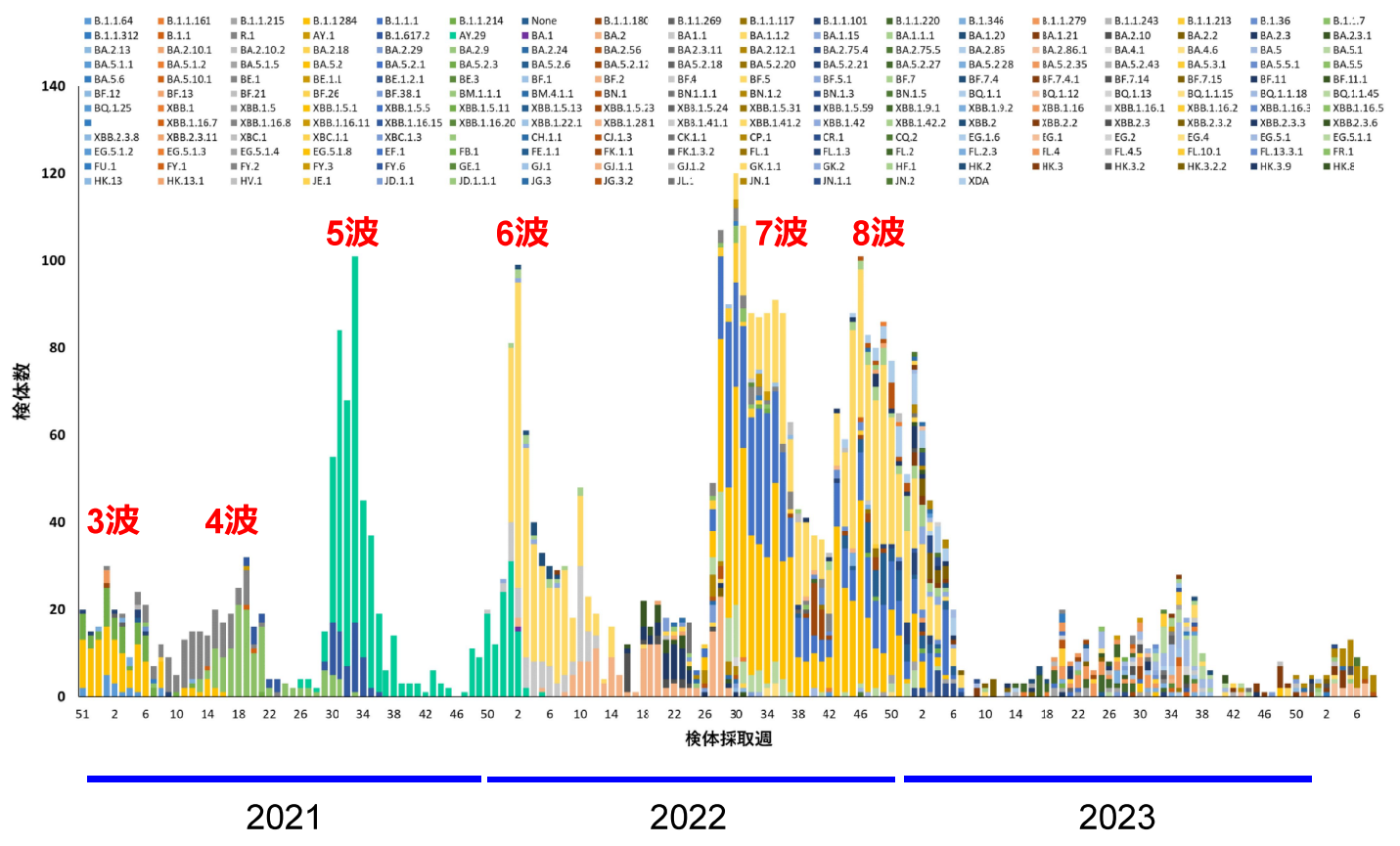
結果が得られた数 4,622

方法：ARTIC-N6プライマーセット

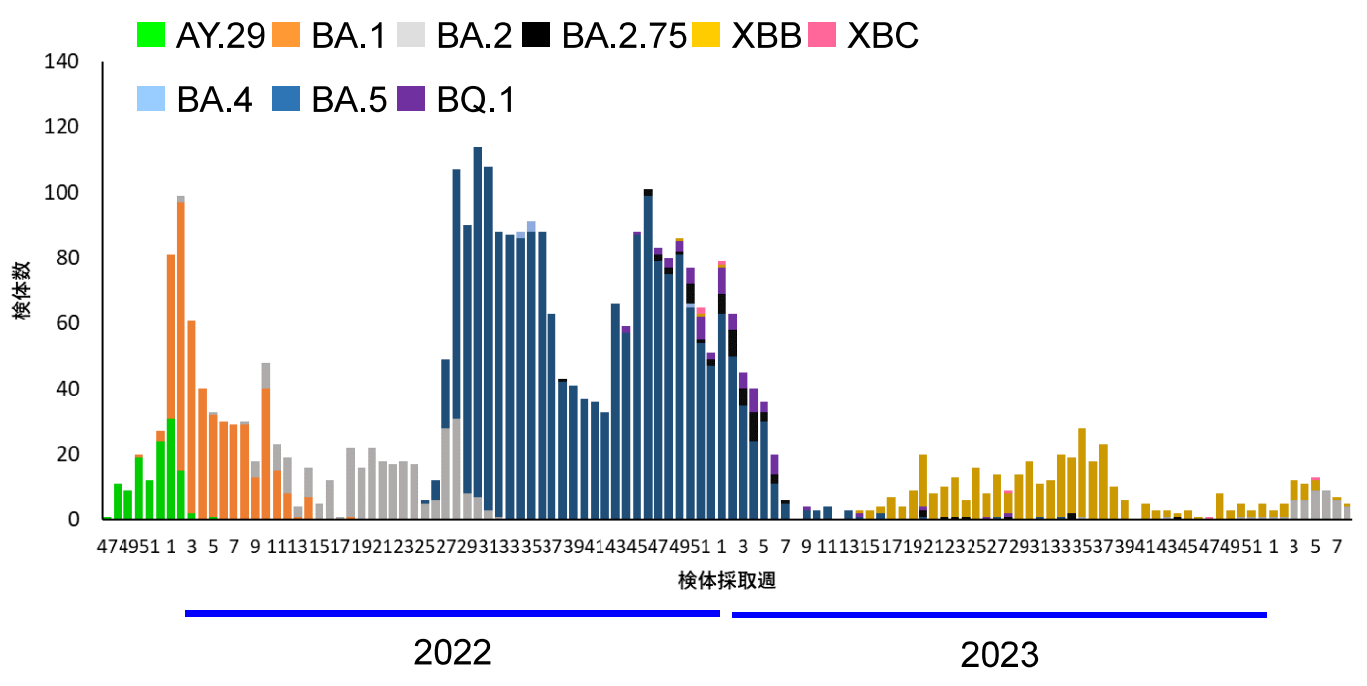
国立感染症研究所による国内における変異株の分類（2023年4月21日時点）

分類	該当する変異株	主な対応	
懸念される変異株 (VOC)	オミクロン	対応	・ゲノムサーベイランス ・必要に応じて変異株PCR検査で監視 ・積極的疫学調査
注目すべき変異株 (VOI)	該当なし	警戒	・ゲノムサーベイランス ・必要に応じて変異株PCR検査の準備 ・積極的疫学調査
監視下の変異株 (VUM)	該当なし	監視	・ゲノムサーベイランス ・発生状況や基本的性状の情報収集

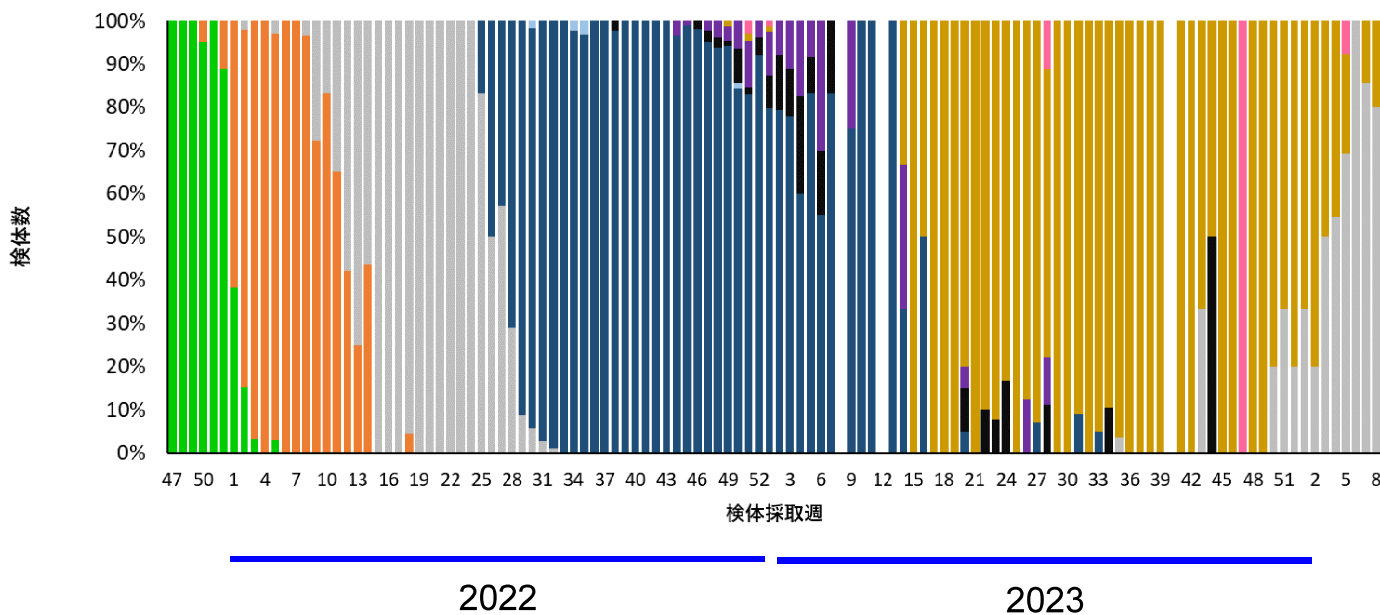
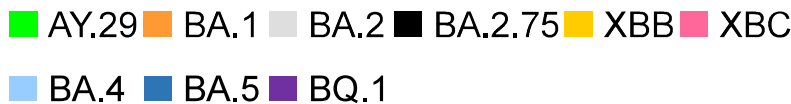
ゲノム解析結果（全体）



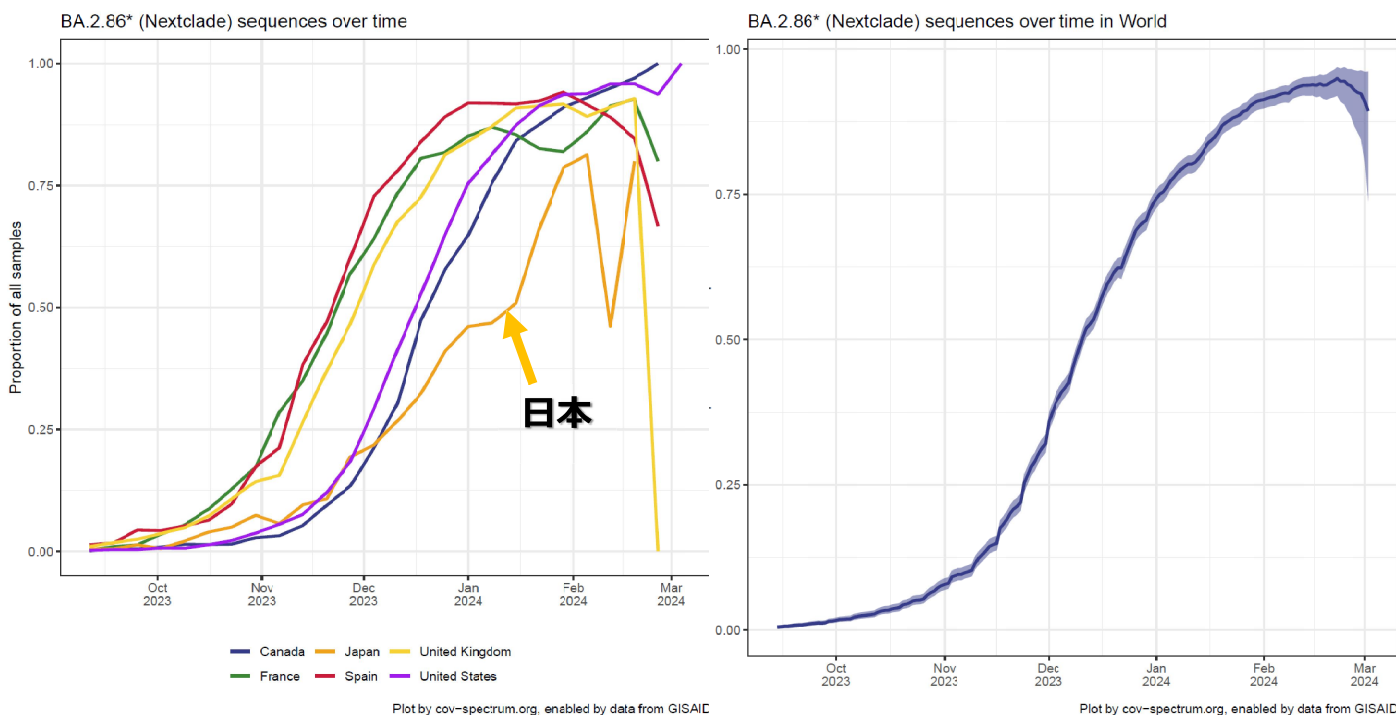
ゲノム解析結果（2021年47週以降）



ゲノム解析結果（検出割合）



ゲノム解析から見た現状



- BA.2.86の子孫系統である JN.1系統の派生株は世界中で流行が見られている
- 群馬県でも12下旬から検出され、5週目以降では割合が増加し、XBB系統は減少している